

Como parte del proyecto 1000 Genomas: El pudú gana votación popular y será secuenciado genéticamente

Tuvo más votos que el cóndor, el siete colores y la ranita de Darwin, entre otras especies. Al estudiar su genoma se espera ayudar a su conservación. Ya está abierto un nuevo proceso de elección ciudadana, ahora de plantas.

AMALIA TORRES

No supera los 40 centímetros de altura, es tímido y suele ocultarse en la vegetación. Pese a lo esquivo, ahora los científicos podrán conocer más detalles del pudú, el más pequeño de los ciervos de América. Esto, ya que acaba de ser elegido para ser el próximo vertebrado al que se le secuencie el genoma.

Tras una elección popular, en la que participaron más de 6 mil personas, el pudú arrasó con 2.200 votos. Así superó al huemul, al cóndor, al flamenco, a la ranita de Darwin, al delfín austral, al siete colores y al gato andino, entre otras especies. Por ello, desde ahora se suma al proyecto 1000 Genomas, iniciativa impulsada por distintos centros de excelencia y diversas casas de estudio nacionales.

Miguel Allende, académico de la Facultad de Ciencias de la U. de Chile y director del Centro Regulación del Genoma (CRG), que participa en la iniciativa, señala: "Nos interesa poder revelar los secretos genéticos que tiene esta especie, muy única y específica de Chile. Es importante secuenciarlo porque si bien es un cérvido y hay otros ciervos en el mundo, es uno que está adaptado a las condiciones climáticas, geográficas y ecológicas de Chile. Ha estado aislado del resto de los cérvidos por muchos millones de años y, por lo tanto, debe tener particularidades que lo hacen capaz de adaptarse al medio local".

Además, "nos interesa porque si bien no está en peligro de extinción inmediato, sí está amenazado. Sobre todo por el uso del ambiente del pudú por parte de humanos y por especies de mascotas que se vuelven ferales



Votaron cerca de 6 mil personas y el pudú sacó más de un tercio de los votos. En Chile, este ciervo vive entre la Región del Maule y la de Aysén.

y atacan a estos animales que son muy dóciles. Entonces hay un peligro de ver una disminución en la población del pudú".

Endémicos

Coincide Juliana Vianna, coordinadora nacional de 1000 Genomas, subdirectora de CRG e investigadora de la U. Católica. "Tener un genoma de referencia nos permite entender procesos evolutivos de la especie, cómo se adaptó al ambiente en el que vive hoy, compararlo con otras especies, buscar genes que expliquen, por ejemplo, el menor tamaño del pudú comparado con otros cér-

vidos. También es una referencia del estatus de conservación de la especie".

El proceso de secuenciación del pudú estará listo de acá a un año, señala Allende.

"El proyecto 1000 Genomas es clave porque secuenciamos nuestra biodiversidad. En Chile hay muchas especies endémicas adaptadas a ambientes extremos, desde el desierto hasta la Antártica", dice Vianna.

El proyecto comenzó ahora un nuevo llamado a votar en su portal (1000genomas.cl) entre diversas especies de plantas. Ruil, copihue, amancay, añáñuca, pasto andino y palma chilena son algunas de las alternativas. Se puede votar hasta el 30 de septiembre.