

[TENDENCIAS]

Homo sapiens sufrieron cambios rápidos en grupos sanguíneos

Estudio da nuevas pistas sobre la adaptabilidad que tuvo la especie una vez que comenzó a salir de África.

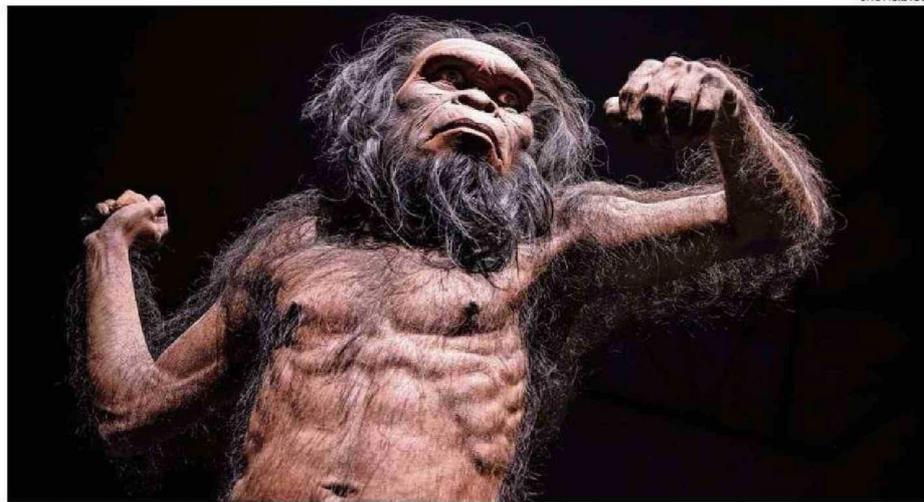
Agencia EFE
 Medios Regionales

Los *Homo sapiens* pueden haber experimentado cambios genéticos adaptativos en sus grupos sanguíneos justo después de abandonar África, según una investigación publicada recientemente en la revista *Scientific Reports*.

El estudio traza un mapa de la diversidad genética de los grupos sanguíneos de 22 *Homo sapiens* y 14 neandertales de Eurasia que vivieron hace entre 120.000 y 20.000 años.

Los *Homo sapiens* se encontraron y cruzaron repetidamente con neandertales en el Levante y los montes Zagros, y entender los cambios en los grupos sanguíneos resultantes de estas interacciones podría ayudar a determinar las pautas de migración humana y dónde se desarrollaron cambios genéticos potencialmente ventajosos.

A pesar de los avances en paleogenómica, los sistemas de grupos sanguíneos de glóbulos rojos en



EL ESTUDIO ANALIZÓ GRUPOS SANGUÍNEOS DE 22 HOMO SAPIENS Y 14 NEANDERTALES.

las poblaciones humanas antiguas siguen siendo poco conocidos, escriben los autores en su artículo.

Para avanzar en este campo y liderados por Stéphane Mazières, el equipo de la Universidad de Aix-Marsella (Francia) utilizó datos genéticos de restos humanos antiguos para evaluar si la diversidad de grupos sanguíneos

neandertales se compartía con poblaciones de *Homo sapiens* del Paleolítico Superior de hace entre 40.000 y 10.000 años.

Mientras que los neandertales tenían alelos -cada una de las dos o más versiones de un gen- ancestrales similares a los de la población actual del África subsahariana, los primeros *Homo sapiens* de

Eurasia habían desarrollado nuevos alelos Rh, que actualmente son tipos sanguíneos cruciales en la transfusión y el control del embarazo.

Estos alelos no están presentes en los neandertales, lo que sugiere que podrían haberse diferenciado en *Homo sapiens* tras abandonar África, pero antes de que se extendieran

por Eurasia.

“Los *Homo sapiens* conquistaron Eurasia con alelos de grupos sanguíneos actualmente exclusivos de poblaciones no africanas”, afirman los autores; esto sugiere que pueden haberse diferenciado justo después de la salida de África, entre 70.000 y 45.000 años.

El estudio también

identifica tres alelos ausentes en los humanos actuales, que podrían pertenecer a un linaje de *Homo sapiens* cuya ascendencia no contribuyó a las poblaciones euroasiáticas de hoy en día.

Los autores apuntan que la población de *Homo sapiens* que llegó a la meseta persa permaneció allí al menos 15.000 años, tiempo suficiente para desarrollar alelos Rh.

Estos alelos pueden haber proporcionado una ventaja evolutiva a las poblaciones de *Homo sapiens* que estuvieron expuestas a presiones de selección diferentes a las de las poblaciones que permanecieron en África.

La contribución de este estudio es doble, resumen los científicos en el artículo difundido. Por un lado “ilumina los patrones de expansión de *Homo sapiens* y, por otro, recuerda la eficacia antropológica de los polimorfismos genéticos que actualmente se están estudiando para la seguridad de las transfusiones y el seguimiento del embarazo”.