

[TENDENCIAS]

OMS pide investigar virus con potencial pandémico

La organización propuso un modelo cooperativo global que se centre en patógenos ya conocidos y que sirvan de guías para investigar a otros nuevos.



Agencia EFE

La Organización Mundial de la Salud (OMS) pidió a investigadores y gobiernos ampliar la investigación de patógenos que podrían evolucionar y provocar futuras pandemias, entre los que mencionó los causantes de enfermedades como la gripe, el covid-19 o la tuberculosis.

Esta recomendación, respaldada por la Coalición para las Innovaciones en Preparación para Epidemias (CEPI), forma parte de un informe que la OMS ha presentado en la Cumbre Mundial de Preparación para Pandemias.

“Necesitamos que la ciencia y la determinación política se unan mientras nos preparamos para la próxima pandemia”, dijo el director general de la OMS, Tedros Adhanom Ghebreyesus.

Según el informe, elaborado por 200 científicos de



LA ORGANIZACIÓN URGIÓ A UN TRABAJO COLABORATIVO GLOBAL.

más de 50 países, el enfoque de la investigación debe ampliarse para crear conocimientos y herramientas que puedan adaptarse rápidamente a las amenazas sanitarias emergentes. La OMS propone utilizar patógenos prototipo (aquellos que ya se conocen) como guías para desarrollar conocimientos sobre familias enteras de patógenos y explorarlas en la búsqueda de otros nuevos que puedan causar pandemias.

Estos patógenos se encuentran principalmente en lugares de alta biodiversidad que están poco estudiados y monitoreados porque su comunidad científica no cuenta con la infraestructura o recursos.

Para superar este obstáculo la OMS aboga por investigaciones “colaborativas y coordinadas” a nivel mundial. “Avanzar en nuestro conocimiento de los numerosos patógenos que nos rodean es un pro-

yecto mundial que requiere la participación de científicos de todos los países”, enfatizó Tedros.

Para facilitararlo la OMS está involucrando a instituciones de investigación de todo el mundo con el fin de poner en marcha un Consorcio Colaborativo de Investigación Abierta para cada familia de patógenos que permita conectar a investigadores, desarrolladores, financiadores y expertos en torno a este esfuerzo. 